

プログラム

9月1日(月) 講演会場：一条ホール

(ロングトークは発表9分、質問3分、*のショートトークは発表5分、質問3分です)

12:00 受付開始
12:50 開会、事務連絡

セッション I：染色体・クロマチンのダイナミクス [座長：沖 昌也・加納純子]

- 13:00 I-1 一部のヘテロクロマチン領域の破綻は他のヘテロクロマチン領域にも影響を及ぼす
寺田尚弘¹、内田博之¹、○沖 昌也^{1,2}
(¹福井大・院工・生物化学、²福井大・生命センター)
- 13:12 I-2 核膜近傍のタンパク質がrDNAの安定性に寄与する
鵜之沢英理^{1,2}、○小林武彦^{1,2}
(¹総研大・遺伝学専攻、²国立遺伝研・細胞遺伝研究部門)
- 13:24 I-3 分裂酵母*fbp1*におけるクロマチン構造変化を利用した
遺伝子発現制御機構の解明
○浅田隆大¹、竹俣直道²、Charles S. Hoffman³、太田邦史²、廣田耕志¹
(¹首都大・理工学研究科、²東大・総合文化研究科、³Boston College)
- 13:36 I-4 出芽酵母のクロマチンリモデリング因子RSCによる
autophagy制御機構の解明
○余 斐斐、今村優子、土屋英子
(広大院・先端研・分子生命)
- 13:48 I-5 染色体と核膜構造の維持に必要なPim1/RCC1の解析
○青木敬太¹、志波 優²、高田 啓³、吉川博文^{2,3}、仁木宏典¹
(¹国立遺伝学研究所、²東京農大・ゲノムセ、³東京農大・応生科・バイオ)
- 14:00 I-6 減数分裂期交叉型組換えにおけるZip3の機能解析
○林原加代子¹、篠原美紀^{1,2}
(¹大阪大学・蛋白質研究所・ゲノム染色体機能、
²大阪大学・院理・生物科学)

- 14:12 I-7 ヒストンH2A.Zの減数分裂期組換えへの関与
山田真太郎¹、藤田侑里香¹、久郷和人¹、村上浩士²、
太田邦史¹、○山田貴富^{1,2}
(¹東大・院総合文化、²中央大・理工)
- 14:24 I-8 動物体構造とスピンドル微小管の安定化に寄与する新規因子Kis1の解析
○平井隼人¹、仮屋園 遼²、新井邦生^{1,2}、佐藤政充^{1,2}
(¹早大院・先進・生医、²東大・院理・生化)

セッションⅡ：ライフサイクル [座長：須田恭之]

- 14:36 II-1 遺伝学的操作による生殖前隔離の実現とその証明
清家泰介¹、中村太郎¹、○下田 親²
(¹大阪市立大・院理・生物地球系、²酵母遺伝資源センター)
- 14:48 II-2 メタノール資化酵母*Hansenula polymorpha*の性決定と
ホモタリズムの機構
○前川裕美、金子嘉信
(阪大・院工・酵母リソース)
- 15:00 II-3 胞子表層構造の構築におけるADAMプロテアーゼMde10の機能解析
○福西加奈、中村太郎
(大阪市立大・院理・生物地球系)

15:12 ~ 15:32 休 憩

セッションⅢ：輸送 [座長：黒川量雄]

- 15:32 III-1 出芽酵母Rab5ホモログVps21pの細胞内局在制御機構の解析
○長野 真¹、十島純子^{1,2}、十島二郎^{1,3}
(¹東京理大・総研・RNA研究センター、²早稲田大・理工学術院・創造理工、
³東京理大・基礎工・生物工)
- 15:44 III-2 初期エンドソーム動態はポリソームの細胞内分布に重要である
○樋口裕次郎¹、Gero Steinberg²
(¹九大院・生資環・生命機能、²エクセター大・生命科学)
- 15:56 III-3 出芽酵母のペプチド輸送体Ptr2の発現と機能解析
○河合 建、守屋篤十、上村聡志、阿部文快
(青山学院大・理工)

- 16:08 III-4 出芽酵母のロイシン輸送体Bap2における基質認識
宇佐美佑紀、上村聡志、望月貴博、○阿部文快
(青山学院大・理工)
- 16:20 III-5 オリゴ糖転移酵素による遊離糖鎖の生成
○原田陽一郎、鈴木 匡
(理研グローバル研究クラスター・糖鎖代謝学研究チーム)
- セッションⅣ：オミクス・ゲノム [座長：笹野 佑・守屋央朗]
- 16:32 IV-1 出芽酵母ゲノムに(たまたま)コードされていた、
毒性のある小さなタンパク質
○守屋央朗¹、石川浩史²、金高令子²、蒔苗浩司¹
(¹岡大・異分野コア、²岡大・院・自然科学)
- 16:44 IV-2 タンパク質過剰がもたらす細胞毒性のモデルタンパク質を用いた解析
○金高令子¹、蒔苗浩司²、守屋央朗²
(¹岡山大学・自然科学・地球生命物質科学、
²岡山大学・異分野先端研究コア)
- 16:56 IV-3 酵母種間で代謝酵素群と重複遺伝子の発現プロファイルは
どのくらい似ているか
古澤和俊、野原健弘、伊藤 遼、大西美帆子、武田大祐、○紀藤圭治
(明治大学・農学部・生命科学科)
- 17:08 IV-4 出芽酵母必須遺伝子の半数以上はヘテロ破壊によりハプロ不全性を示す
○大貫慎輔、大矢禎一
(東大・院新領域・先端生命)
- 17:20 IV-5 ゲノム工学技術を用いた出芽酵母新規合成致死遺伝子の探索
○高垣太緒、Saeed Kaboli、砂田啓輔、山川卓也、
笹野 佑、杉山峰崇、原島 俊
(阪大・院工・生命先端)
- 17:32 IV-6 Segmental haploidization of diploid genome in
Saccharomyces cerevisiae and its application to breeding
○Saeed Kaboli, Tetsuya Miyamoto, Keisuke Sunada,
Yu Sasano, Minetaka Sugiyama, Satoshi Harashima
(Dept. Biotechnol., Grad. Sch. Eng., Osaka Univ.)

セッションV：細胞骨格の重合制御 [座長：柏崎 隼]

17:44 V-1 PP1 依存的なフォーミンの交替は収縮環形成を促進する

○折井みなみ、河野恵子、温 欣宜、中西 真
(名古屋市立大・院医・細胞生化学)

17:56 V-2 間期微小管の重合核形成を制御する因子

Alp7/TACC-Mto1/CDK5RAP2の解析

○須永智成、新井邦生、岡田直幸、佐藤政充
(早大・生命医科)

18:10 ~ 20:00 ポスター発表 (会場：セイホクギャラリー)

18:20 ~ 19:00 (40分間) 奇数番号 説明担当時間

19:00 ~ 19:40 (40分間) 偶数番号 説明担当時間

◎20:30までにセイホクギャラリーは閉鎖します。

19:00 ~ 20:30 運営委員会

9月2日(火) 講演会場：一条ホール

(ロングトークは発表9分、質問3分、*のショートトークは発表5分、質問3分です)

8:00 受付開始

8:55 事務連絡

セッションVI：寿命の制御機構 [座長：大塚北斗]

9:00 VI-1 分裂酵母の新規経時寿命測定法の開発

○福島玲奈^{1,2}、松山晃久^{2,3}、吉田 稔^{1~3}

(¹東大・院農・応用生命工学専攻、²理研・吉田化学遺伝学研、
³理研・環境資源科学研究センター・ケミカルゲノミクス)

9:12 VI-2 出芽酵母のSSGI長寿変異株における寿命制御機構の解析

○小川貴史¹、椿山諒平¹、金井宗良²、藤井 力²、

久米一規¹、平田 大^{1,3}、水沼正樹¹

(¹広島大院・先端研・分子生命、²酒総研、³朝日酒造・研究開発)

9:24 VI-3 * 出芽酵母の液胞膜に局在する寿命制御に関わるSsg1の機能解析

○小山哲也¹、椿山諒平¹、金井宗良²、藤井 力²、平田 大¹、水沼正樹¹

(¹広島大院・先端研・分子生命、²酒総研)

- 9:32 VI-4 出芽酵母の分裂老化における増殖停止機構
○上原佑樹、松浦 彰
(千葉大・院融合科学・ナノバイオロジー)

セッションVII：ゴルジ体・小胞輸送 [座長：上村聡志]

- 9:44 VII-1 *Saccharomyces cerevisiae*のゴルジ体槽成熟におけるCOPIの機能解析
○石井みどり^{1,2}・須田恭之^{2,3}・黒川量雄²・中野明彦^{1,2}
(¹東大院・理・生物科学、²理研・ライブセル分子イメージング研究チーム、
³筑波大院・人間総合・生命システム医学)
- 9:56 VII-2 小胞体からゴルジ体へのタンパク質輸送機構の解明
○黒川量雄¹、中野明彦^{1,2}
(¹理研・基幹研・中野生体膜、²東京大・院・理・生物科学)
- 10:08 VII-3 出芽酵母細胞壁成分 β -1,6-glucan合成関連蛋白質Kre9の解析
○林田光弘、野田陽一、依田幸司
(東大院・農生科・応生工)
- 10:20 VII-4 * 出芽酵母の小胞輸送におけるアシル化転移酵素の遺伝学的解析
○辛島健文、船戸耕一
(広島大院・生物圏)
- 10:28 ~ 10:48 休 憩

セッションVIII：テロメア・クロマチン・染色体分配 [座長：山本 歩・田中克典]

- 10:48 VIII-1 シェルタリン構成因子Tpz1のSUMO化修飾によるテロメア長制御
宮川恵輔¹、藤澤志帆¹、在田朋晃¹、中村 通²、○田中克典¹
(¹関西学院大・理工・生命、²イリノイ大・分子遺伝)
- 11:00 VIII-2 DNA結合欠失型ヒストン転写因子の分子特性
○高山優子¹、増田史恵²
(¹帝京大学・バイオ、²久留米大・分生研)
- 11:12 VIII-3 分裂酵母における減数分裂期DNA複製の停止による染色体の構造変化
○Kun Ruan¹、山本孝治²、浅川東彦¹、近重裕次²、
升方久夫³、原口徳子^{1,2}、平岡 泰^{1,2}
(¹阪大・院・生命機能、²情報通信研究機構、³阪大・院・理)

11:24 VIII-4 分裂酵母核内膜タンパク質の染色体分配と
ヘテロクロマチン形成における役割
丹下喜恵、原口徳子、○平岡 泰
(大阪大学・大学院・生命機能研究科、情報通信研究機構)

11:36 VIII-5 減数分裂期におけるテロメア集合を介した動原体制御
○勝俣和大¹、平安亜美¹、建穂一樹¹、和久田愛理²、
三好純平²、市川絢登²、山本 歩^{1,2}
(¹静岡大学・院理・化学専攻、²理・化学)

11:48 VIII-6 * 分裂酵母の定常期における染色体の動態解析
野澤裕佑¹、佐藤研太²、石田桃圭²、横田清花²、
齋藤雪奈²、加藤智美²、○山本 歩^{1,2}
(¹静大・院理・化学専攻、²静大・理・化学)

11:56 ~ 13:00 昼 食

セッションⅨ：Tor・細胞応答 [座長：中嶋昭雄]

13:00 IX-1 メタノール誘導性遺伝子発現制御に関わる PpWsc1 と PpWsc2 の機能
○大澤 晋、由里本博也、阪井康能
(京大院農・応用生命)

13:12 IX-2 トア (Tor) 複合体1の窒素源栄養感知メカニズム解明の挑戦
○鎌田芳彰
(基礎生物学研究所)

13:24 IX-3 分裂酵母TORキナーゼ複合体はスフィンゴ脂質生合成の制御に関与する
○江森 翠、秦野智行、建部 恒、塩崎一裕
(奈良先端大・バイオサイエンス)

13:36 IX-4 出芽酵母Ca²⁺-*cls*変異間の相互作用プロファイルを用いたCa²⁺応答の再構築
○吉田光範¹、大貫慎輔¹、平田 大²、大矢禎一¹
(¹東大・院新領域・先端生命、²広島大学・先端研/朝日酒造・研究開発)

セッションⅩ：新しい技術 (I) [座長：松山 崇]

13:48 X-1 AYT: YPDと同等の増殖ができる酵母合成培地
○赤田倫治¹、美澄幸恵¹、岩切 亮²、中村美紀子³、星田尚司¹
(¹山口大・院医系・応用分子生命、²興人ライフサイエンス、
³山口大・産学公)

- 14:00 X-2 * メタノール資化酵母 *Hansenula polymorpha* の
新しい高安定性プラスミドベクター
○金子嘉信、周 瑩、前川裕美
(阪大・院工・酵母リソース)
- 14:08 X-3 担子菌系酵母 *Pseudozyma antarctica* による異種タンパク質生産系の構築
○渡部貴志¹、森田友岳²、小池英明³、鎗水 透¹、北本宏子¹
(¹(独) 農環研、²(独) 産総研・環境化学、³(独) 産総研・生物プロセス)
- 14:20 X-4 出芽酵母の胞子を利用したカプセル化酵素の作成
○中西秀樹¹、Libing Shi¹、舘川宏之²、高 暁冬¹
(¹江南大・生物工程、²東大院・農生科・応生化)

14:32 ~ 14:50 休 憩

セッションXI：オートファジー・タンパク質分解 [座長：八代田英樹・木俣行雄]

- 14:50 XI-1 オートファジーによるRNA分解機構
○川俣朋子¹、Hanghang Huang²、福崎英一郎²、大隅良典¹
(¹東工大・フロンティア、²阪大・院工)
- 15:02 XI-2 PI3キナーゼ複合体のオートファジー特異的リン酸化制御
○荒木保弘、大隅良典
(東京工業大学フロンティア研究機構)
- 15:14 XI-3 出芽酵母が語るマイトファジーの普遍性と多様性
岡本徳子、榊原佳織、岩下昌平、英山明慶、橋本絢子、○岡本浩二
(阪大・院生命機能・ミトコンドリア動態学)
- 15:26 XI-4 ミトコンドリアの機能不全はUnfolded protein responseに
どのように関わるか？
木俣有紀、小口能里枝、○木俣行雄
(奈良先端大・バイオ)
- 15:38 XI-5 * 液胞内リパーゼ様タンパク質 Atg15 の機能解析
○白井 亨¹、鈴木邦律^{1,2}
(¹東大・院新領域・先端生命、
²東大・院新領域・バイオイメージングセンター)

- 15:46 XI-6 リン酸飢餓におけるオートファジーの役割と誘導メカニズムの解析
○横田浩人、五味勝也、新谷尚弘
(東北大・院農・生物産業創成科学)
- 15:58 XI-7 * プロテアソーム形成シャペロンUmp1と遺伝学的に
相互作用するEnv9の解析
○八代田英樹、山本 遥、村田茂穂
(東大・薬・蛋白質代謝)
- 16:06 XI-8 小胞体タンパク質分解におけるTrx2の関与
○上野 豊¹、奥 公秀¹、寶関 淳^{1,2}、阪井康能^{1,2}
(¹京大院農・応用生命、²京大国際融合・生理化学)
- 16:18 NBRP ナショナルバイオリソースプロジェクト(NBRP)酵母
○中村太郎¹、原島 俊²、前川裕美³、北村憲司⁴、下田 親¹、金子嘉信³
(¹大阪市立大・院理・生物地球、²大阪大・院工・生命先端、
³大阪大・院工・酵母リソース、⁴広大・自然科学研セ)
- 16:30 ~ 16:40 休 憩
- 16:40 ~ 17:40 **特別講演「The Genetic Landscape of the Cell」**
Charlie M. Boone (University of Toronto, Canada)
- 17:40 ~ 18:05 総 会
- 18:05 ~ 18:20 休 憩
- 18:20 ~ 20:00 ポスター発表 (会場：セイホクギャラリー)
18:30 ~ 19:00 (30分間) 偶数番号 説明担当時間
19:00 ~ 19:30 (30分間) 奇数番号 説明担当時間
◎ポスターは、20:30までに必ず撤去してください。
20:40までにセイホクギャラリーは撤収・閉鎖します。

9月3日(水) 講演会場：一条ホール

(ロングトークは発表9分、質問3分、*のショートトークは発表5分、質問3分です)

- 8:00 受付開始
8:55 事務連絡

セッションⅫ：ストレス応答・代謝調節 [座長：新谷尚弘・渡辺大輔]

- 9:00 XII-1 発酵関連ストレス下で優先的に翻訳される遺伝子の探索
Trinh TM Nguyen、山内雪菜、岩城 理、○井沢真吾
(京都工繊大・院工芸科学・応用生物)
- 9:12 XII-2 出芽酵母ユビキチンリガーゼRsp5によるストレス下での
原形質膜タンパク質の品質管理機構
○志賀岳希、清水優子、鈴木悦子、佐々木俊弥、渡辺大輔、高木博史
(奈良先端大・バイオ)
- 9:24 XII-3 出芽酵母Rsp5ユビキチンリガーゼのWWドメインを介した基質特異性
Indah Wijayanti、Akaraphol Watcharawipas、○渡辺大輔、高木博史
(奈良先端大・バイオ)
- 9:36 XII-4 酵母における銅代謝関連転写因子Mac1を介したNOによる
高温ストレス耐性機構の解析
○那須野 亮、相徳珠帆、真砂裕紀、西村 明、高木博史
(奈良先端大・バイオ)
- 9:48 XII-5 分裂酵母*S. pombe*のリシノール酸生産に伴う増殖阻害の*pit2*による抑制
○植村 浩¹、矢澤 彌¹、小木曾真佐代¹、熊谷博道²
(¹産総研・生物プロセス、²旭硝子)
- 10:00 XII-6 * 分裂酵母における*plg7*の機能解析
○玉置尚徳¹、高峯和則¹、吉崎由美子¹、奥津果優¹、
二神泰基¹、中山玲子²、熊谷英彦³
(¹鹿児島大・農・焼酎発酵セ、²京女大・家政、³石川県大)
- 10:08 XII-7 The roles of Acyl-CoA synthetases in *Yarrowia lipolytica*
○Tenagy¹、Junsuk Park¹、Ryo Iwama¹、Satoshi Kobayashi¹、
Akinori Ohta²、Hiroyuki Horiuchi¹、Ryouichi Fukuda
(¹Dept. Biotechnol., Univ. Tokyo, ²Dept. Biol. Chem., Chubu Univ.)
- 10:20 ~ 10:40 休 憩

セッションXIII：新しい技術（II） [座長：北村憲司・前川裕美]

- 10:40 XIII-1 改良オーキシンドェグロン法 (Improved auxin-inducible degron: iAID) によるタイトな酵母変異体の作製とDNA複製制御機構解明への適用
大浪真由美¹、飯田哲史^{2,3}、荒木弘之^{1,3}、○田中誠司^{1,3}
(¹遺伝研・微生物遺伝、²遺伝研・細胞遺伝、³総研大・遺伝学)
- 10:52 XIII-2 * GFP融合抗体断片の細胞内発現によるタンパク質翻訳後修飾の生細胞観察
○浅川東彦¹、大槻千鶴¹、佐藤優子²、木村 宏²、平岡 泰¹
(¹阪大・院生命機能、²東工大・院生命理工)
- 11:00 XIII-3 * マイクロ流体デバイスを用いた分裂酵母の長期一細胞計測
○中岡秀憲、大倉玲子、若本祐一
(東大・院・総合文化)
- 11:08 XIII-4 出芽酵母における多数の外来遺伝子の発現調節システムの構築
伊藤洋一郎、山西 守、池内暁紀、○松山 崇
(豊田中央研究所・バイオ研究室)
- 11:20 XIII-5 出芽酵母の高活性ターミネーター *DIT1t* を活性化する遺伝子の同定
○北川孝雄¹、伊藤洋一郎²、片平悟史²、
藏満保宏¹、中村和行^{1,3}、松山 崇²
(¹山口大院医学系/プロテオーム・蛋白機能制御学分野、
²(株)豊田中央研究所/バイオ研、³徳山医師会病院)
- 11:32 XIII-6 * GoldenGate法に基づく分裂酵母染色体への
遺伝子ノックイン・モジュールの作製
○佐藤政充^{1,2}、角井康貢^{2,3}、須永智成¹
(¹早大・先進理工・生命医科学、²東大・院理・生物化学、
³Cancer Research UK)
- 11:40 XIII-7 * 分裂酵母 *S. pombe* の細胞外オリゴペプチド利用制御
藤本菜奈、○北村憲司
(広島大・自然科学研セ・遺伝子)
- 11:48 XIII-8 高度不飽和脂肪酸産生出芽酵母の投与によるマウス皮膚炎症反応の抑制
○寺津聡一郎¹、渡辺直子¹、矢澤 彌²、植村 浩²
(¹東邦大・院理・生物分子科学、²産総研・生物プロセス・生体物質工学)
- 12:00 閉 会

ポスター発表 (会場：セイホクギャラリー)

第1日目 18:10 ~ 20:00

18:20 ~ 19:00 (40分間) 奇数番号 説明担当時間

19:00 ~ 19:40 (40分間) 偶数番号 説明担当時間

◎20:30までにセイホクギャラリーは閉鎖します。

第2日目 18:20 ~ 20:00

18:30 ~ 19:00 (30分間) 偶数番号 説明担当時間

19:00 ~ 19:30 (30分間) 奇数番号 説明担当時間

◎ポスターは、20:30までに必ず撤去してください。

20:40までにセイホクギャラリーは撤収・閉鎖します。

核・クロマチン

P1 プロテインキナーゼAによるスピンドルチェックポイントの制御機構の解析

○酒井智健、山家雅之、川向 誠、松尾安浩

(島根大・生物資源・生命工)

P2 分裂酵母コンデンシンは転写による染色体分配妨害効果を解消する

○中沢直彦、許 興亜、佐二木健一、新川織江、柳田充弘

(沖縄科学技術大学院大学・G0細胞ユニット)

P3 出芽酵母におけるミニ染色体のワンステップ作成技術の開発

○長澤宏器、笹野 佑、Kaboli Saeed、杉山峰崇、原島 俊

(阪大・院工・生命先端)

P4 ヒストン結合領域を欠失したコリプレッサー Tup1 の機能解析

○田中直子¹、布施智博²、清水光弘²、向 由起夫¹

(¹長浜バイオ大院・バイオサイエンス、²明星大・理工)

P5 グルコースに応答したモノカルボン酸輸送体Jen1の減少における

Ccr4-Not複合体の役割

○竹越祐太郎、五味勝也、新谷尚弘

(東北大・院農・生物産業創成科学)

P6 DNA二本鎖切断部位の核内配置におけるクロマチン構造変換複合体の役割

○尾間由佳子¹、小西辰則¹、堀籠智洋²、折原行希³、Susan Gasser²、原田昌彦¹

(¹東北大・院農・分子生物、²FMI, Basel、³東北大・農・分子生物)

- P7 分裂酵母 Rqh1 のヘリケース活性はテロメア末端の削り込みに重要である
南部智子、平田直也、○上野 勝
(廣大・院先端物質・分子生命)
- P8 テロメアクラスターのスフィンゴ脂質による制御とその役割
○池田敦子、宗岡哲也、村上 卓、廣田彩花、船戸耕一
(広島大院・生物圏)
- P9 Telomere length-dependent regulation of RAP1 transcription in *S. cerevisiae*
○Osimanjiang Wupu, Aiko Matsui, and Akira Matsuura
(Dept. Nanobiol., Grad. Sch. Adv. Integration Sci., Chiba University)
- P10 テロメラーゼ欠損によって誘導される細胞老化におけるミトコンドリアの機能
○三浦敦宏、松浦 彰
(千葉大・院融合科学・ナノバイオロジー)
- P11 テロメアキャッピング機能変異に伴うテロメアの平衡長切り替え機構の解析
○鈴木景子、酒井裕介、松浦 彰
(千葉大・院融合科学・ナノバイオロジー)
- P12 シナプトネマ複合体の伸長は交叉型組換えの染色体サイズ依存的
バイアスの制御に必要である
東出望花、○篠原美紀
(大阪大・蛋白研・ゲノム染色体機能、阪大・院理・生物科学)

輸 送

- P13 分裂酵母の ERGIC 様コンパートメントに存在する Emp43 の機能解析
○神谷勇輝、川口宗馬、梨子木健人、鈴木章太郎、田淵光昭、田中直孝
(香川大・農・応用生物)
- P14 分裂酵母のゴルジ体膜表在性タンパク質 Gmp 複合体の機能解析
○大山拓朗、兒子隆英、工藤麻友美、田淵光昭、田中直孝
(香川大・農・応用生物)
- P15 Slm1 はエイソソームを介してエンドサイトーシスを制御する
○八重佳織、津田遼平、田中直孝、田淵光昭
(香川大院・農)

- P16 酵母トリプトファン輸送体Tat1の高圧・高温下での分解に関わるアミノ酸残基の同定
○望月貴博、上村聡志、阿部文快
(青山学院大・理工)
- P17 遊離糖鎖生成に関わる新規因子の探索
○平山弘人、鈴木 匡
(理研GRC・システム糖鎖G・糖鎖代謝T)
- P18 酵母におけるシグナルペプチド非依存的タンパク質輸送経路
○細見 昭、鈴木 匡
(理研GRC・システム糖鎖G・糖鎖代謝T)
- P19 膜輸送による細胞膜ステロールリッチドメインの局在制御機構の解明
○徳倉将人¹、西村慎一^{1,2}、越智純子¹、吉田 稔³、掛谷秀昭^{1,2}
(¹京大薬、²京大院薬、³理研)
- P20 モノカルボン酸輸送体Jen1のエンドサイトーシスにおける
Rsp5アダプタータンパク質Art4によるJen1認識機構の解析
○藤田翔貴、五味勝也、新谷尚弘
(東北大・院農・生物産業創成科学)
- P21 リン脂質フリッパーゼ結合タンパク質Rcy1によるリサイクリング経路の制御機構
○山本隆晴、花松久寿、鎌田このみ、田中一馬
(北海道大学・遺制研・分子間情報)
- P22 出芽酵母Sec2の胞子形成における役割
○須田恭之^{1,2}、中野明彦^{2,3}、入江賢児¹
(¹筑波大・医学医療系、²理研・光量子工学・ライブセル分子イメージング、
³東大・院理・生物科学)
- P23 出芽酵母におけるRho GTPaseファミリータンパク質によるアクチンケーブルの制御
○久保田千尋¹、岡田明日香¹、長島万希子¹、十島純子^{2,3}、十島二郎^{1,2}
(¹東京理大・基礎工・生物工、²東京理大・RIST・RNA研究センター、
³早稲田大・理工学術院・創造理工)
- P24 出芽酵母を用いたGタンパク質共役型受容体Ste2pの細胞内リサイクリング機構の解析
○寒竹晃司¹、富田剛史¹、仲田瑛亮¹、十島純子^{2,3}、十島二郎^{1,3}
(¹東京理科大・基礎工・生物工、²早稲田大・理工学術院・創造理工、
³東京理科大・RIST・RNA研究センター)

- P25 アクチンケーブル形成における Srv2p のアクチン結合ドメインの機能解析
 ○堀込知佳¹、岡田明日香¹、十島純子^{2,3}、十島二郎^{1,2}
 (¹東京理大・基礎工・生物工、²東京理大・総研・RNA 研究センター、
³早稲田大・理工学術院・創造理工)
- P26 出芽酵母 Arf GAP Glo3p による細胞膜タンパク質のリサイクリングの制御
 ○小林 宣¹、河田大樹¹、仲田瑛亮¹、富田剛史¹、
 長野 真²、十島純子^{2,3}、十島二郎^{1,2}
 (¹東京理科大・基礎工研・生物工学、²東京理科大・RITS・RNA 研究センター、
³早稲田大・理工学術院・創造理工)
- P27 エンドサイトーシス経路と生合成経路の交叉点
 ○十島純子^{1,2}、西ノ明 祥³、佐藤祥史³、山本 航³、十島二郎^{2,3}
 (¹早稲田大・理工学術・創造理工、²東京理科大・RSIT・RNA センター、
³東京理科大・基礎工・生物工)

ゲノム・ゲノミクス

- P28 遺伝子発現量の乱れを補正する機構のシステムティックな解析
 ○石川浩史¹、蒔苗浩司²、杉本育代²、守屋史朗²
 (¹岡山大学・自然科学・地球生命物質科学、²岡山大学・異分野融合先端研究コア)

細胞骨格

- P29 核-細胞質間輸送を介した分裂酵母微小管ネットワーク形成の制御
 ○荒井律子^{1,2}、鎌田綾子^{1,3}、佐藤政充^{4~6}、木村 暁²、
 登田 隆^{4,7}、堀ノ内末治³、吉田 稔¹
 (¹理研・化学遺伝、²遺伝研・細胞建築、³東大・院農生・応生工、
⁴Cancer Research UK・Cell Regulation、⁵東大・院理・生化、
⁶早稲田大・院・先進理工、⁷広島大・院・先端物質科学)
- P30 出芽酵母のイソアミルアルコール誘導偽菌糸における
 異常な配向の微小管とアクチンの相互作用
 ○村田和加恵^{1,2}、北原 望¹、金原聡子¹、荻田 亮^{1,3}、藤田憲一¹、田中俊雄¹
 (¹大阪市立大・院理・生物地球系、²米子高専物質、³大阪市立大・健康研セ)

寿 命

- P31 分裂酵母における経時寿命延長因子 Ecl1 ファミリータンパク質の解析
 大塚北斗¹、○島崎嵩史¹、石田麻衣子¹、内藤知佳子²、饗場浩文¹
 (¹名大院創薬科学、²名大院生命農)

P32 新規な性分化シグナル・亜鉛枯渇における Ecl1 ファミリー遺伝子の機能解析
○石田麻衣子¹、大塚北斗¹、村上浩士²、饗場浩文¹
(¹名大院創薬科学、²中央大学理工)

P33 出芽酵母 *Azds1* の Ca²⁺ 感受性を抑圧する変異株 *scz* の経時的寿命への影響
○山名一綱¹、小川貴史¹、椿山諒平¹、久米一規¹、平田 大^{1,2}、水沼正樹¹
(¹広島大院・先端研・分子生命機能科学、²朝日酒造・研究開発)

シグナル伝達

P34 TSC シグナル伝達経路におけるトランスポゾン発現制御の役割
○中瀬由起子、松本智裕
(京都大・放生研)

P35 分裂酵母 TORC1 の窒素源飢餓時の再活性化と生理機能
○中嶋昭雄、吉川 潮
(神戸大・バイオシグナル研究センター)

P36 オートファジー誘導における TORC1 不活性化機構の解析
○吉良新太郎¹、野田佳苗¹、吉森 保^{2,3}、野田健司^{1,2}
(¹阪大・院・歯学、²生命機能、³医学系)

P37 分泌経路遮断時のシグナル伝達における TORC1 の機能解析
○矢吹友佳理、児玉悠史、坂本有木子、池田敦子、船戸耕一、水田啓子
(広島大院・生物圏)

P38 The role of glutamine in the activation of TORC1 in yeast
○陳 佳文、前田達哉
(東大・院農・分生研)

P39 TORC2-Pkc1 シグナル経路の DNA 損傷応答への関与
○野村 亘¹、河田照雄¹、井上善晴²
(¹京大院・農・食品生物、²京大院・農・応用生命)

P40 HOG 経路による cytokinesis の制御
○谷川美頼¹、大西雅之²、John R. Pringle²、平田愛子³、大矢禎一³、前田達哉¹
(¹東京大学・分生研、²Stanford University、³東京大学・新領域)

P41 酵母メタノール誘導性遺伝子発現を制御する転写因子Hap複合体の機能解析
○小田沙織、由里本博也、阪井康能
(京大院農・応用生命)

P42 出芽酵母の細胞壁合成チェックポイント制御因子の遺伝学的解析
○石井啓子、今成美雪、菊地 陽、大矢禎一
(東大・院新領域・先端生命)

オートファジー・タンパク質分解

P43 長時間飢餓条件時のオートファジー停止に欠損を示す変異体の同定
○野口雅史¹、吉良新太郎²、吉森 保^{1,3}、野田健司^{1,2}
(¹阪大院・生命機能、²歯学、³医学系)

P44 Atg3の可視化によるオートファゴソーム形成機構の解析
呉 枚嬪¹、○鈴木邦律^{1,2}
(¹東京大・院新領域・先端生命科学専攻、
²東京大・院新領域・バイオイメージングセンター)

P45 硝酸レダクターゼの窒素源変化に伴う選択的オートファジーによる分解
○白石晃将、奥 公秀、由里本博也、阪井康能
(京大・院農・応用生命)

ストレス・代謝

P46 酵母 *Yarrowia lipolytica* のサブファミリー 52 に属する
12種のシトクロムP450の機能解析
○岩間 亮¹、高井 寛¹、小林 哲¹、堀内裕之¹、太田明德²、福田良一¹
(¹東大・農生科・応生工、²中部大・応生・応化)

P47 酵母におけるN-アセチルトランスフェラーゼMpr1依存的な
新規アルギニン合成機構の解明
○乗船沙紀、関口春菜、那須野 亮、高木博史
(奈良先端大・バイオ)

P48 出芽酵母ユビキチンリガーゼRsp5のC2ドメイン依存的な新規活性制御機構
○棚橋亮弥、中村圭士、渡辺大輔、高木博史
(奈良先端大・バイオ)

- P49 酵母に見出したTah18タンパク質依存的なNO生成と制御機構
○吉川雄樹、那須野 亮、川原寛弘、高木博史
(奈良先端科学技術大学院大学・バイオ)
- P50 清酒酵母協会7号は窒素源のシグナル伝達系に異常がある
○中沢伸重、佐藤 綾、穂坂正博
(秋田県大・院生資・応生)
- P51 出芽酵母 AMPK オルソログ Snf1 の小胞体ストレス応答における機能解析
○増田勇人、水野智亮、入江賢児
(筑波大学大学院・人間総合科学研究科)
- P52 分裂酵母 *ura4* 破壊株における細胞溶解時の代謝物
○西野耕平、櫛間満咲、松尾祐児、川向 誠
(島根大・生物資源科学・生命工学)
- P53 酵母の酢酸ストレス耐性に対する7回膜貫通型タンパク質 Mrh1 と Yro2 の関与
○河添希美、高島暁子、井沢真吾
(京都工繊大・工学科学・応用生物)
- P54 過剰発現で乳酸耐性を付与する出芽酵母転写活性化因子 Haa1 の機能解析
○中西良太、堀江仁志、松田祐典、笹野 佑、杉山峰崇、原島 俊
(阪大院・工・生命先端)
- P55 高温耐性出芽酵母 C3723 株における *CDC19-C* 遺伝子による高温耐性化
木村駿太、王 琨、○笹野 佑、杉山峰崇、原島 俊
(阪大・院工・生命先端)

新技術・応用

- P56 温度感受性変異株の大規模な定量的表現型解析による必須遺伝子の機能探索
○鈴木吾大¹、大貫慎輔¹、Michael Costanzo²、
Brenda Andrews²、Charlie Boone²、大矢禎一¹
(¹東大・院新領域・先端生命、
²University of Toronto・Medical Research・Donnelly Centre)
- P57 糖型バイオサーファクタント量産酵母 *Pseudozyma antarctica* T-34 の遺伝子解析
○森田友岳¹、小池英明²、佐藤 俊¹、羽部 浩¹、北本 大¹
(¹産総研・環境化学、²産総研・生物プロセス)

- P58 担子菌系酵母 *Pseudozyma antarctica* JCM10317 のゲノム解析
 ○雑賀あずさ¹、森田友岳¹、小池英明²、福岡徳馬¹、
 佐藤 俊¹、羽部 浩¹、北本 大¹、北本宏子³
 (¹(独)産総研・環境化学、²(独)産総研・生物プロセス、³(独)農環研)
- P59 担子菌系酵母 *Pseudozyma antarctica* が^s生産する糖脂質 MEL の生態的役割
 吉田重信¹、森田友岳²、植田浩一¹、○北本宏子¹
 (¹(独)農環研、²(独)産総研・環境化学)
- P60 メタボローム空間上の座標を志向した未知醸造酵母のスクリーニング
 ○門脇真史¹、澤田和敬²、柘植圭介²、福崎久詩¹、田口誠我¹、北垣浩志¹
 (¹佐賀大学・農・生物環境、²佐賀県工業技術センター)
- P61 麴菌 Glucosylceramide による酵母への生理機能賦与
 ○佐藤友哉¹、澤田和敬²、柘植圭介²、L. N. Jayakody¹、
 平田みよ¹、阿部文快³、北垣浩志¹
 (¹佐賀大学・農、²佐賀県工技セ、³青山学院大)
- P62 酵母発現系を用いた宿主グルタチオンを分解する病原菌エフェクターの機能解析
 ○藤原祥子¹、長谷川純一¹、田中直孝¹、大西浩平²、田淵光昭¹
 (¹香川大・院農・生物資源利用、²高知大・遺伝子実験施設)
- P63 ジャポニカス分裂酵母の菌糸形成に関与する遺伝子の探索
 ○野崎晋五¹、古谷寛治²、吉川博文³、仁木宏典¹
 (¹遺伝研・系統生物研究センター、²京大・放生研セ、³東京農大・応生科・バイオ)
- P64 マイコウイルス MoCV1-A 由来抗菌性タンパク質 (P4) の
 部分領域発現パン酵母における生育促進現象の解析
 ○木村優里¹、太田智子¹、浦山俊一¹、福原敏行¹、有江 力²、寺岡 徹²、森山裕充¹
 (農工大・院農・¹細胞分子、²植物病理)
- P65 Hsp70 が^sSup35 アミロイドの巨大化を促進するメカニズム
 ○倉橋洋史¹、荒井千恵²、逆瀬川裕二¹、中村義一²、堂浦克美¹
 (¹東北大・院医・神経化学、²東大・医科研・遺伝子動態)
- P66 2倍体焼酎酵母における繰り返し利用可能な遺伝子破壊システムの構築
 ○迎麻菜美¹、吉崎由美子²、奥津果優²、高峯和則²、二神泰基²、玉置尚徳²
 (¹鹿大・院農・生資化、²鹿大・農・焼酎発酵学セ)

- P67 ゲノムシャフリングによる出芽酵母高温耐性の改良と高温アルコール発酵
○杉山峰崇¹、呉 俊元¹、Badua Mark Anthony A.²、笹野 佑¹、金子嘉信³、原島 俊¹
(¹阪大院・工・生命先端、²Dept. Chem. Eng., Univ. Philippines Los Banos、
³阪大院・工・酵母リソース)

細胞構造・オルガネラ

- P68 Pbp1 は翻訳制御に機能することで細胞壁合成を制御する
○木村雄一、入江賢児
(筑波大学・院人間総合・分子細胞生物学)
- P69 出芽酵母におけるホスファチジルエタノールアミンのオルガネラ間輸送に関する研究
○水池 彩¹、小林新吾¹、太田明德²、福田良一¹
(¹東大院・農生科・応生工、²中部大・応生・応生化)
- P70 複合スフィンゴ脂質、MIPC の生合成は出芽酵母の細胞壁機能維持に関与する
森本雄士、○谷 元洋
(九州大院・理・化学)
- P71 Pkh キナーゼはエイソソームを介してセラミド合成を制御する
○吉川大地、津田遼平、田中直孝、田淵光昭
(香川大院・農)
- P72 VCP/Cdc48 過剰発現スクリーニングから得られた *gpi10* 変異体の解析
大沼洋平¹、○木村洋子^{2,3}、川脇純子²、田中啓二²、垣塚 彰¹
(¹京都大・生命、²都医学研・蛋白質代謝、³静岡大・農)
- P73 GPI アンカー型タンパク質の最終目的地を決定するメカニズムの解析
○横尾岳彦¹、高瀬久美子¹、梅村真理子^{1,2}
(¹産総研・生物プロセス、²東京薬科大・生命科学)
- P74 Cutoff trap からの脱出
上園幸史
(東大・院理・生物科学)
- P75 油脂酵母 *Lipomyces starkeyi* の油脂蓄積関連遺伝子の発現解析
○山崎晴丈¹、坂井真人¹、志田洋介²、小笠原 渉²、高久洋暁¹
(¹新潟薬大・応生科、²長岡技科大・生物)

企業・団体による展示

展示企業 シスメックス株式会社
ミネルヴァテック株式会社

展示団体 ナショナルバイオリソースプロジェクト (NBRP) 酵母